

Das NMI ist ein anwendungsorientiertes Forschungsinstitut, das wissenschaftliche Erkenntnisse der Wirtschaft zugänglich macht

- Anwendungsorientierte Forschung und Entwicklung, Beratung, Messung, Testung, Analyse, Studien und Implementierung im Zeichen innovativer Lösungen.
- Effizientes, breites Dienstleistungsspektrum für KMU und Großkunden.
- Flexible Strukturen, hochqualifizierte, interdisziplinäre Teams, modernstes Equipment und Qualitätsmanagement für außergewöhnliche Ergebnisse.
- Realisierung zielorientierter Projektverbünde in einem starken Netzwerk von Unternehmen, Forschungseinrichtungen und Universitäten verschiedener Branchen, insbesondere im Life Science Bereich.
- Keimzelle erfolgreicher Unternehmensgründungen.
- Gegründet 1985 als gemeinnützige Stiftung bürgerlichen Rechts.
- 170 Mitarbeiter.
- Tochterunternehmen: NMI TechnologieTransfer GmbH (NMI TT GmbH)
- Das NMI ist Mitglied der Innovationsallianz Baden-Württemberg.



Mit unserem Fokus auf lösungsorientierter, angewandter Forschung und Entwicklung erzielen wir für Sie effizient und schnell konkrete Ergebnisse. Überzeugen Sie sich von unserer breiten, interdisziplinären Kompetenz für Ihre Anforderungen.

NMI schafft Ergebnisse.

Proteinanalytik >>



Massenspektrometrie für Pharmazeutika



NMI Naturwissenschaftliches und Medizinisches Institut an der Universität Tübingen

Markwiesenstraße 55
72770 Reutlingen
Germany
Telefon +49 7121 51530-0
Telefax +49 7121 51530-16
info@nmi.de, www.nmi.de



Im Rahmen des NMI entwickelt die Arbeitsgruppe Bioanalytik analytische Methoden zur Charakterisierung von Biomolekülen für Fragestellungen von Firmenkunden und Projektpartnern.

Eine sehr gute Ausstattung und mehrjährige Erfahrung in der Proteinanalytik ermöglichen es uns, unseren Kunden und Partnern optimale Lösungen für ihre analytischen Fragestellungen bereitzustellen.

Die analytische Unterstützung ist dabei von der frühen Phase der Entwicklung bis hin zum Produkt möglich.



Analyse und Charakterisierung von Proteinen

Ansprechpartner
Dr. Anne Zeck
Tel. +49 7121 51530-811
anne.zeck@nmi.de

Analytische Unterstützung kann erfolgen bei:

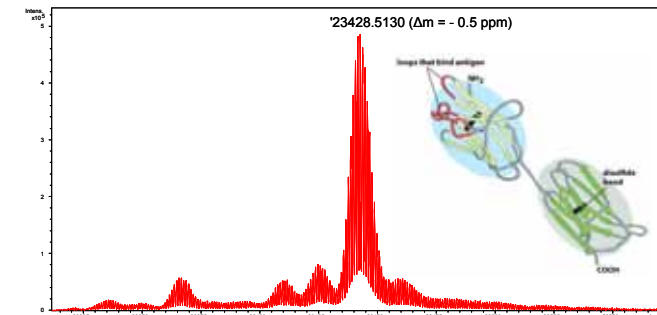
- Sequenz- und Klonauswahl
- der molekularen Bewertung der Entwickelbarkeit
- der erweiterten Charakterisierung
- Batch-zu-Batch Vergleichbarkeit
- Formulierungsentwicklung
- Fermentationsentwicklung

Analysen

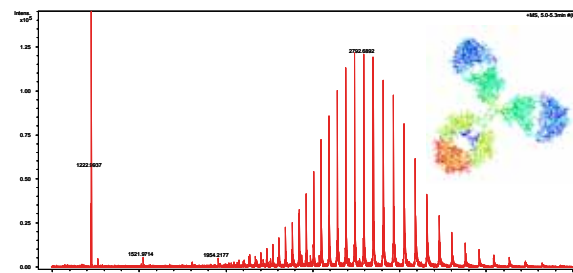
- Identität & Integrität
- Protein-Quantifizierung
- Bestimmung des Glykosylierungsmusters
- Charakterisierung der Mikroheterogenitäten
- Bestätigung der primären Aminosäuresequenz
- Kopplungsdichte von Biokonjugaten für Bioassaykomponenten
- Positionsspezifische Aufklärung von Degradation aufgrund von Lagerung oder Stress
- Aminosäureanalytik des Fermentationsmediums

Geräteausstattung

- maXis ESI-UHRTOF-MSMS System (Bruker Daltonik)
- QExactive Orbitrap (Thermo Scientific)
- MALDI-TOF-MSMS (Ultraflex III, Bruker Daltonik)
- Tripel Quadrupol Geräte (Quattro Micro, Waters / API 3000, ABSciex)



Dekonvolviertes Massenspektrum der leichten Kette eines Antikörpers (isotopenaufgelöst).



Elektrospray-Massenspektrum eines intakten Antikörpers.

Publikationen

- Zeck A. et al. *Low level sequence variant analysis of recombinant proteins: an optimized approach.* PLoS one 7 (2012) e40328.
- Jäger C. et al. *Determination of antibody glycosylation by mass spectrometry.* Methods Mol. Biol. 901 (2012) 195-208.
- Zeck A. et al. *Cell type-specific N-glycosylation pattern of FcγRIIIa Asn-162.* J. Proteome Res. 10 (2011) 3031-3039.